

## Spektrometr mas – pojedynczy kwadrupol

**Thermo**  
SCIENTIFIC



Pojedynczy kwadrupolowy spektrometr mas posiada jeden kwadrupolowy analizator mas. Kwadrupolowy analizator mas działa jak filtr masowy, umożliwiając wybór konkretnego analitu, o określonym stosunku  $m/z$ , którym analityk jest zainteresowany (tryb „single ion monitoring”), a także umożliwia oznaczenie szeregu różnych związków (o różnym zakresie  $m/z$ ) w tym samym czasie (tryb „full scan monitoring”).

Oferowane przez Thermo Scientific [spektrometry mas](#) pełne są innowacyjnych rozwiązań technologicznych. Dostępne są dwa modele spektrometrów mas z pojedynczym kwadrupolem: **ISQ™ EC** oraz **ISQ™ EM**, różniące się zakresem  $m/z$  oznaczanych związków oraz możliwością zastosowania różnych źródeł jonizacji.

Detektory **Thermo Scientific™ ISQ™ EM** oraz **ISQ™ EC** można swobodnie podłączyć do systemów wysokosprawnej chromatografii cieczowej HPLC oraz UHPLC, umożliwiając swobodą i rzetelną pracę jako zestawy LC-MS. Prostota podłączenia, łatwość obsługi i utrzymania spektrometrów, intuicyjne oprogramowanie Chromeleon oraz zwiększenie możliwości aplikacyjnych systemów HPLC to główne powody wyboru spektrometrów mas Thermo Scientific typu pojedynczy kwadrupol.



### Cechy szczególne:

#### Cechy szczególne spektrometrów ISQ™ EC i EM:

- Wytrzymałe i solidne źródło jonizacji pod ciśnieniem atmosferycznym (API) z wymiennymi sondami HESI i APCI (dot. ISQ™ EM) pozwalają na analizę najbardziej wymagających próbek ze złożoną matrycą. Wymiana źródła jest prosta i nie wiąże się z utratą próżni
- specjalnie opracowane położenie wysokowydajnych sond HESI i APCI pozwala na zwiększenie wydajności jonizacji i stabilności rozpylania w szerokim zakresie przepływów
- Wbudowane wzorce odniesienia do automatycznej kalibracji przyrządu
- Ultraszybkie skanowanie umożliwiające jednoczesną analizę jonów dodatnich i ujemnych
- Ułatwione opracowanie i optymalizacja metod przy zastosowaniu źródła jonów o nowej technologii
- Możliwość identyfikacji związku poprzez jego fragmentację – dysocjacja indukowana zderzeniami (CID)
- Pełna kontrola z poziomu oprogramowania **Thermo Scientific™ Chromeleon™ Chromatography Data System (CDS)**
- Obsługa specjalnej otwartej (dla wielu użytkowników) wersji oprogramowania **Chromeleon™ XPS**

## Parametry techniczne:

### Parametry techniczne spektrometrów Thermo Scientific™ ISQ™ EM oraz ISQ™ EC

		 <p><b>ISQ EM</b> Analiza LC-MS z rozszerzonym zakresem mas oraz dwoma źródłami jonizacji (HESI oraz HESI/APCI)</p>	 <p><b>ISQ EC</b> Rutynowe analizy IC-MS oraz LC-MS, optymalny dla małych cząsteczek</p>
Wydajność	Aplikacje	Chromatografia cieczowa HPLC i UHPLC	Chromatografia jonowa IC oraz cieczowa HPLC i UHPLC
	Zakres mas	10 – 2000 m/z	10 – 1250 m/z
	Wspierane tryby	Full scan / SIM	Full scan / SIM
	Rozdzielczość masy	jednostka ( $\leq 1.0$ Da)	jednostka ( $\leq 1.0$ Da)
	Dokładność masy	$< \pm 0.1$ Da	$< \pm 0.1$ Da
	Częstotliwość skanowania	do 20000 (Da/s)	do 20000 (Da/s)
	Stabilność masy	$< 0.1$ Da przez 48 h	$< 0.1$ Da przez 48 h
Szczegóły dotyczące źródła	Rodzaj	HESI oraz HESI/APCI	HESI
	Zakres przepływu	do 2mL/min	do 2mL/min